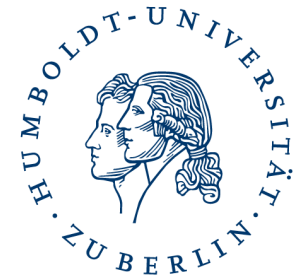


Algorithmische Bioinformatik

Suffixbäume

Ulf Leser

Wissensmanagement in der
Bioinformatik



Ziele

- Perspektivenwechsel:
Von Online zu Offline-Stringmatching
- Verständnis von Suffix-Bäumen als Datenstruktur
- Problem bei der Konstruktion erkennen

Inhalt dieser Vorlesung

- Suffixbäume
 - Motivation
 - Aufbau
 - Naive Konstruktion
- Verwendung von Suffixbäumen

Problemstellung

- Bisherige Algorithmen
 - Ein Template T (m) und ein oder mehrere Pattern P (n)
 - Prinzip: Preprocessing von P in $O(n)$, dann Suche in $O(m)$
- Jetzt: Gegeben eine lange Zeichenkette T
 - Z.B. Komplettes Genom des Menschen
- Benutzer schicken ständig neue Pattern P
 - Z.B. Gene anderer Spezies
- T sollte vorverarbeitet werden
 - Kosten amortisieren sich über viele Suchen
 - Zählen nicht für die Suche eines Pattern
- Eine Lösung: Suffixbäume

Motivation: Datenbanksuchen

- Solche Suchen sind ein Hauptthema der Bioinformatik
 - I.d.R. approximativ
 - Schnelle Algorithmen für approx. Suchen benutzen (fast) immer ein exaktes Suchverfahren **zum Finden aussichtsreicher Regionen**
- Suffixbäume sind **sehr schnell für exakte Suchen**
 - Aber: Speicherplatz, Sekundärspeicherverhalten
 - Alternative Baumstrukturen: Suffix-Arrays, Enhanced Suffix-Arrays, Burrows-Wheeler-Transformation, ...
 - Andere Alternative: **Hashing**
- Suffixbäume haben viele weitere Anwendungen
 - Suche nach längsten identischen Subsequenzen
 - Suche nach längsten Repeats

Suffixbäume

- Definition

Der *Suffixbaum* T für einen String S mit $|S|=m$ ist ein Baum mit

- T hat eine Wurzel und m Blätter, markiert mit $1, \dots, m$
- Jede Kante E ist mit einem Substring $\text{label}(E) \neq \emptyset$ von S beschriftet
- Jeder innere Knoten k hat mindestens 2 Kinder
- Alle Label der Kanten von einem Knoten k aus beginnen mit unterschiedlichen Zeichen
- Sei (k_1, k_2, \dots, k_n) ein Pfad von der Wurzel zu einem Blatt mit Markierung i . Dann ist die *Konkatenation der Label der Kanten auf dem Pfad gleich $S[i..m]$*

Beispiel 1

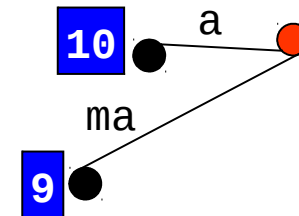
1234567890

- **S = BANANARAMA**

Beispiel 1

1234567890

- S= BANANARAMA

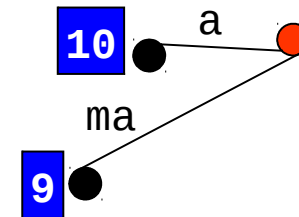


- Problem: Wohin kommt „AMA“?
 - Verlängerung von „a“ verboten – 10 sonst kein Blatt
 - Neue Kante „ama“ verboten – zwei Pfade aus der Wurzel würden sonst mit gleichem Zeichen beginnen
 - Es gibt **keinen Suffixbaum** für BANANARAMA
 - Problem tritt auf, sobald ein Suffix Präfix eines anderen Suffix ist
 - Also dauernd

Beispiel 1

1234567890

- S = BANANARAMA

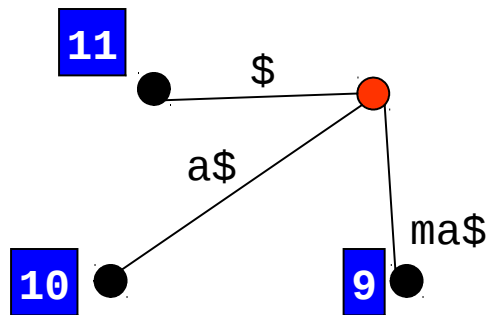


- Problem: Wohin kommt „AMA“?
 - Verlängerung von „a“ verboten – 10 sonst kein Blatt
 - Neue Kante „ama“ verboten – zwei Pfade aus der Wurzel würden sonst mit gleichem Zeichen beginnen
 - Es gibt **keinen Suffixbaum** für BANANARAMA
 - Problem tritt auf, sobald ein Suffix Präfix eines anderen Suffix ist
 - Also dauernd
- Trick: Wir betrachten „BANANARAMA\$“
 - „\$“ nicht Teil des Alphabets von S

Beispiel 2

12345678901

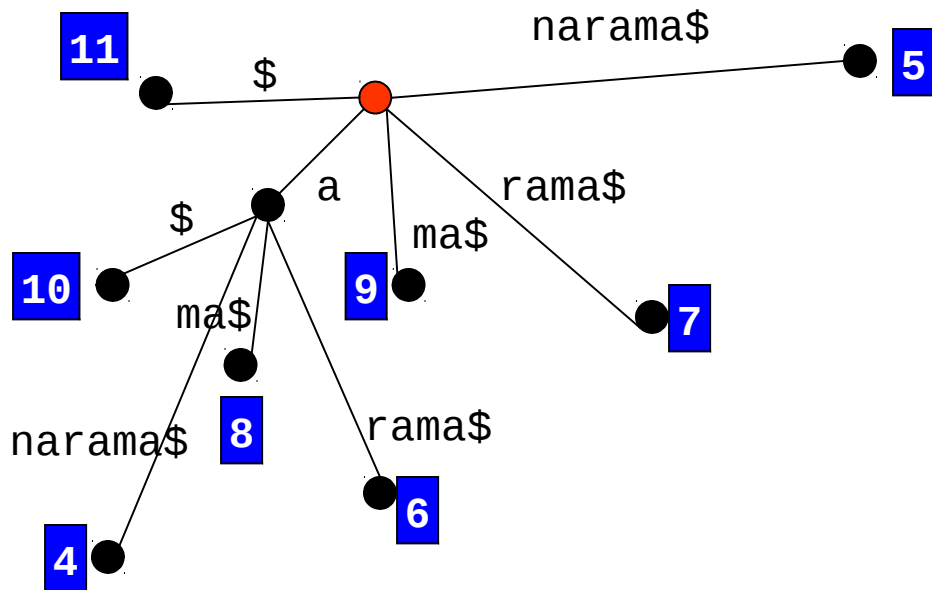
- $S = \text{BANANARAMA\$}$



Beispiel 2

12345678901

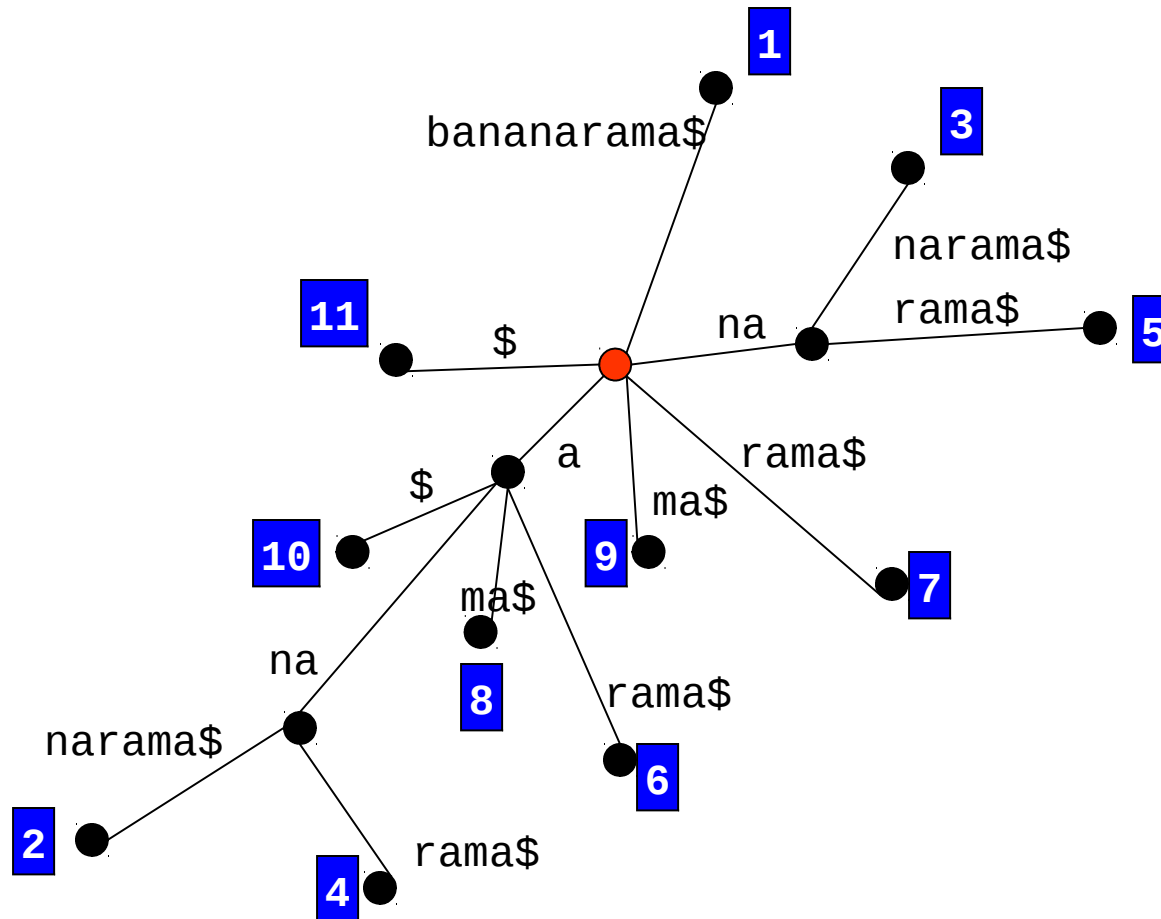
- $S = \text{BANANARAMA\$}$



Beispiel 3

12345678901

- S = BANANARAMA\$



Eigenschaften von Suffixbäumen

- Zu jedem String (plus \$) gibt es genau einen Suffixbaum
- Jeder Pfad von Wurzel zu einem Blatt ist eindeutig
- Jede Verzweigung an einem inneren Knoten ist eindeutig
- Gleiche Substrings können an mehreren Kanten stehen
- Suffixbäume und Keyword-Trees
 - Betrachte alle Suffixe von S als Pattern
 - Konstruiere den Keyword-Tree
 - Verschmelze alle Knoten auf einem Pfad ohne Abzweigungen zu einer Kante
 - Dann haben wir einen Suffixbaum für S
 - **Komplexität?**

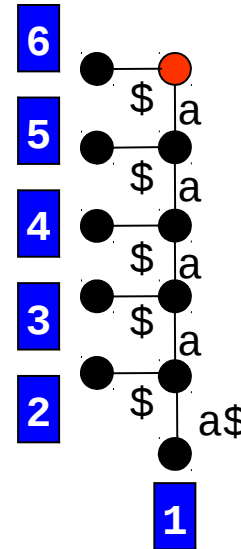
Weitere Beispiele

- $S = \text{aaaaa\$}$

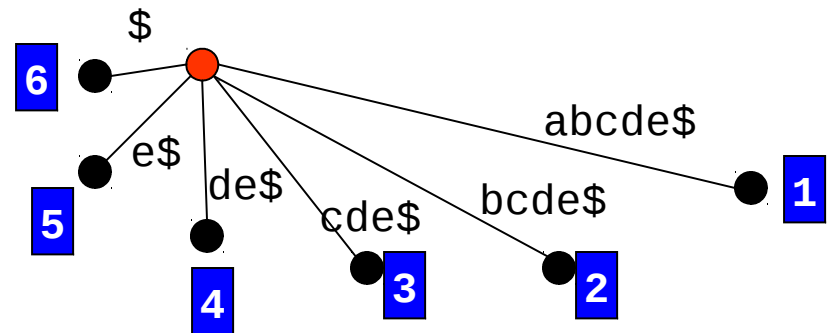
- $S = \text{abcde\$}$

Weitere Beispiele

- $S = \text{aaaaa}\$$



- $S = \text{abcde}\$$



Inhalt dieser Vorlesung

- Suffixbäume
 - Motivation
 - Aufbau
 - Naive Konstruktion
- Verwendung von Suffixbäumen

Definitionen

- Definition

Sei T der Suffixbaum für String $S + "$"$

- *Sei p ein Pfad in T von $\text{root}(T)$ zu einem Knoten k . Dann ist $\text{label}(p)$ die Konkatination der Label der Kanten auf dem Pfad p*
- *Sei k ein Knoten von T und p der Pfad zu k . Dann ist $\text{label}(k) = \text{label}(p)$*
- *Sei k ein Knoten von T . Dann ist $\text{depth}(k) = |\text{label}(k)|$*

Naive Konstruktion von Suffixbäumen

- Gesucht: Suffixbaum T für String S
- Start: Bilde Baum T_0 mit Wurzelknoten und einer Kante mit Label „ $S\$$ “ zu einem Blatt mit Markierung 1
- **Konstruiere T_{i+1} aus T_i wie folgt**
 - Betrachte das Suffix $S_{i+1} = S[i+1..]\$$
 - Matche S_{i+1} in T_i so weit wie möglich
 - Schließlich muss es einen Mismatch geben
 - Alle bisher eingefügten Suffixe sind länger als S_{i+1} , also wird $\$$ nie mit $\$$ matchen
 - $\$$ kommt sonst nicht in S vor
 - Folgendes kann passieren ...

Naive Konstruktion von Suffixbäumen

2

- Konstruiere T_{i+1} aus T_i wie folgt ...
 1. S_{i+1} matched bis auf \$; **Mismatch auf einer Kante** n an Position j
 - Füge in n an Position j einen neuen Knoten k ein
 - Erzeuge Kante von k zu neuen Blatt k' ; beschrifte die Kante mit „\$“
 - Markiere k' mit $i+1$
 2. S_{i+1} matched bis auf \$; **Mismatch am Ende einer Kante** n
 - Sei k der Zielknoten von n
 - Erzeuge Kante von k zu neuen Blatt k' ; beschrifte die Kante mit „\$“
 - Markiere k' mit $i+1$
 3. **Mismatch vor \$ auf einer Kante** n an Position j des Labels; der Mismatch in S_{i+1} sei an Position $j' < |S_{i+1}|$
 - Füge in n an Position j einen neuen Knoten k ein
 - Erzeuge Kante von k zu neuen Blatt k' ; beschrifte Kante mit „ $S[j'..] \$$ “
 - Markiere k' mit $i+1$

Beispiel

- “barbapapa”
- ...

Komplexität – Naive Konstruktion

- Jeder Schritt von T_i zu T_{i+1} ist $O(m)$
- Es gibt $m-1$ solcher Schritte
- Zusammen: $O(m^2)$

→ Thema nächste Vorlesung:
 $O(m)$ Algorithmus von Ukkonen

Inhalt dieser Vorlesung

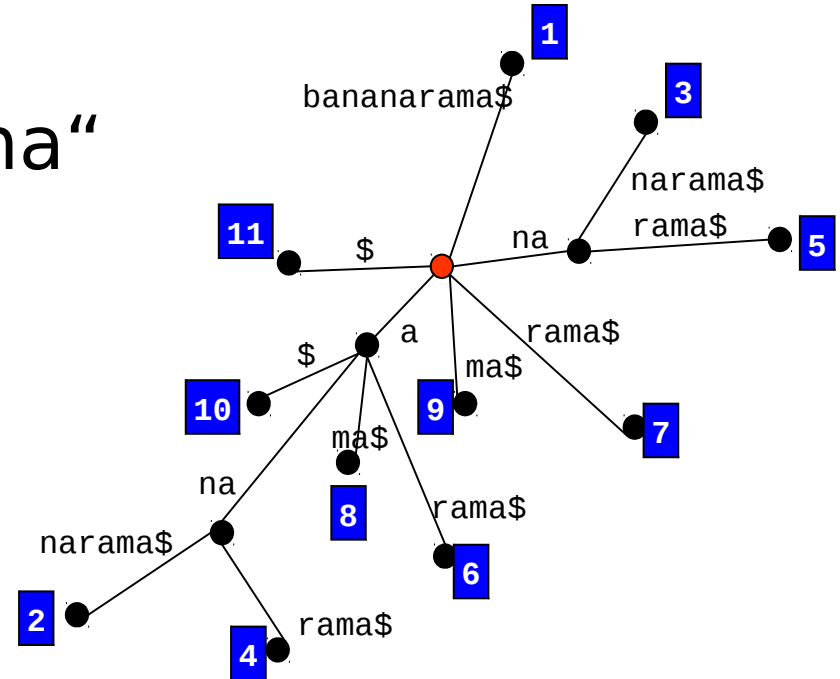
- Suffixbäume
 - Motivation
 - Aufbau
 - Naive Konstruktion
- Verwendung von Suffixbäumen

Suche mit Suffixbäumen

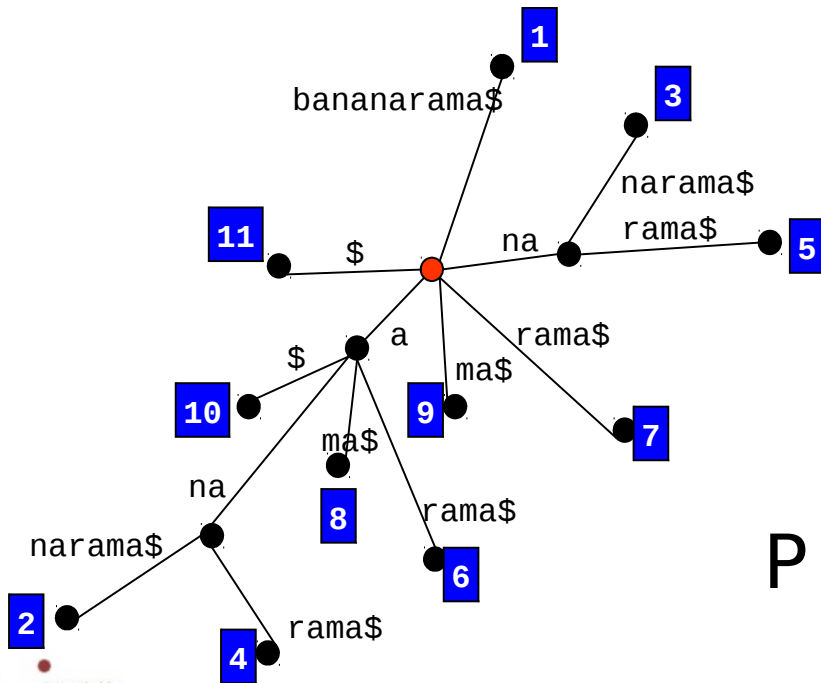
- Intuition
 - Jedes Vorkommen eines Pattern P muss **Präfix eines Suffix** sein
 - Und die haben wir alle auf Pfaden von der Wurzel aus
- Gegeben S und P. Finde alle Vorkommen von P in S
 - Konstruiere den Suffixbaum T zu S+“\$“
 - Das geht in $O(|S|)$, wie wir sehen werden
 - Matche P auf einen Pfad in T ab der Wurzel
 - Wenn das nicht geht, kommt P in S nicht vor
 - P kann **in einem Knoten k** enden; merke k
 - Oder P endet in einem Kantenlabel;
sei k der Endknoten dieser Kante
 - Die Markierungen aller **unterhalb von k gelegenen Blätter sind Startpunkte** von Vorkommen von P in S

Beispiel: bananarama\$

P = „na“

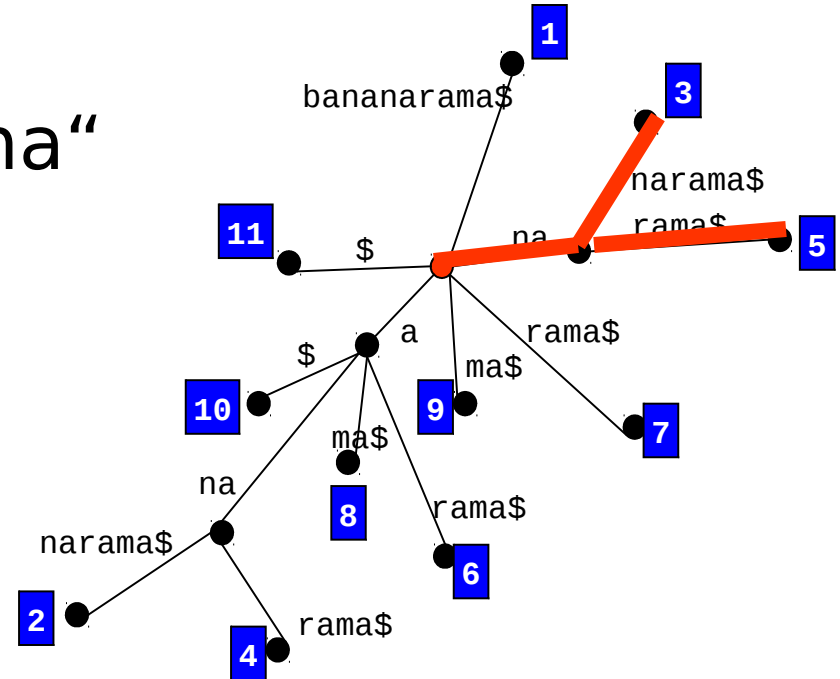


P = „an“

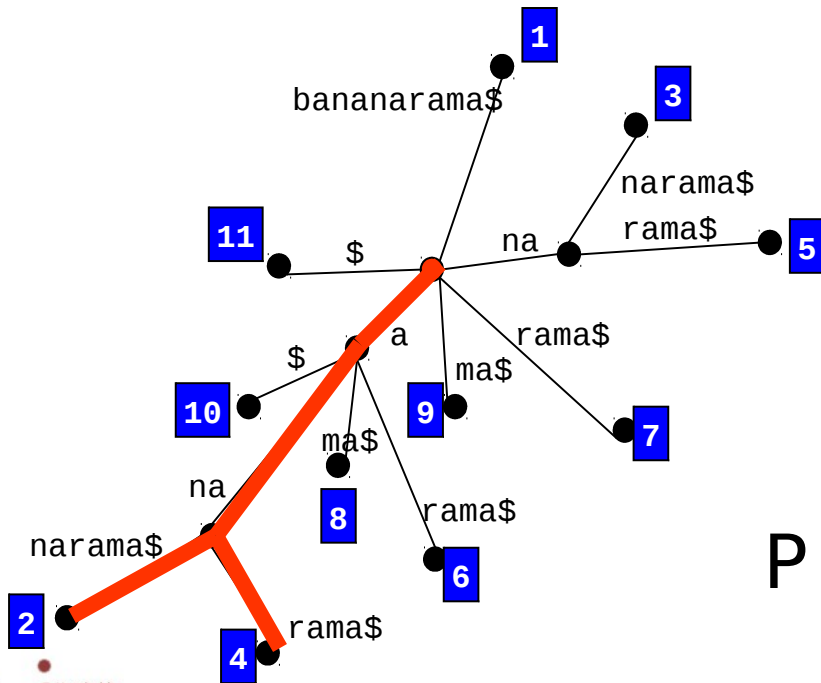


Beispiel: bananarama\$

P = „na“



P = „an“



Komplexität

- Theorem
Sei T der Suffixbaum für $S + "\$"$. Die Suche nach allen Vorkommen eines Pattern P , $|P|=n$, in S hat die Komplexität $O(n+k)$, wenn k die Anzahl Vorkommen von P in S ist.
- Beweisidee
 - P in T matchen kostet $O(n)$
 - Pfade sind eindeutig – Entscheidung an jedem Knoten ist klar
 - Blätter aufsammeln ist $O(k)$
 - Baum unterhalb Knoten K hat k Blätter
 - Wie findet man die $O(k)$?

Längster gemeinsamer Substring

- Gegeben zwei Strings S_1 und S_2
- Gesucht: **Längster gemeinsamer Substring s**
- Vorschläge ?

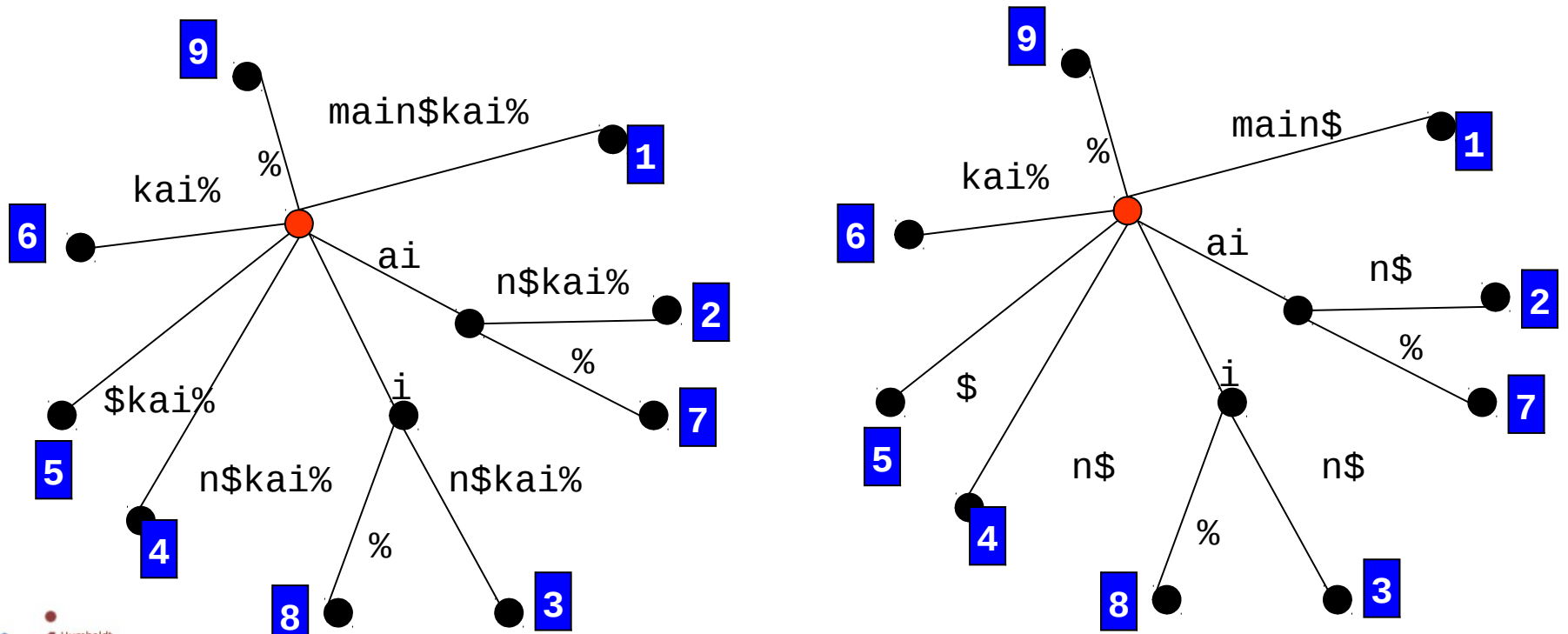
Längster gemeinsamer Substring

- Gegeben zwei Strings S_1 und S_2
- Gesucht: **Längster gemeinsamer Substring s**
- Vorschläge ?

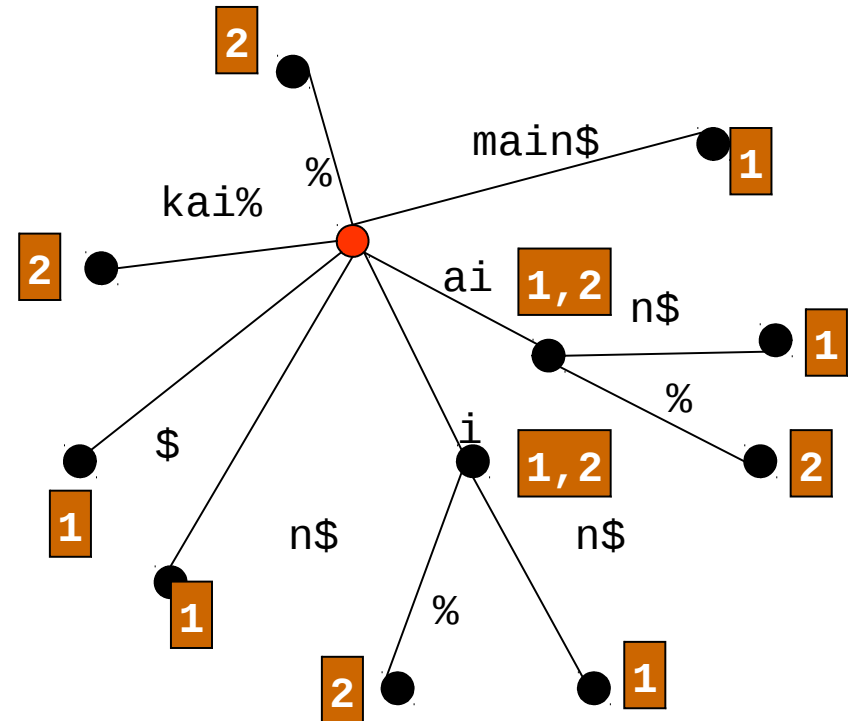
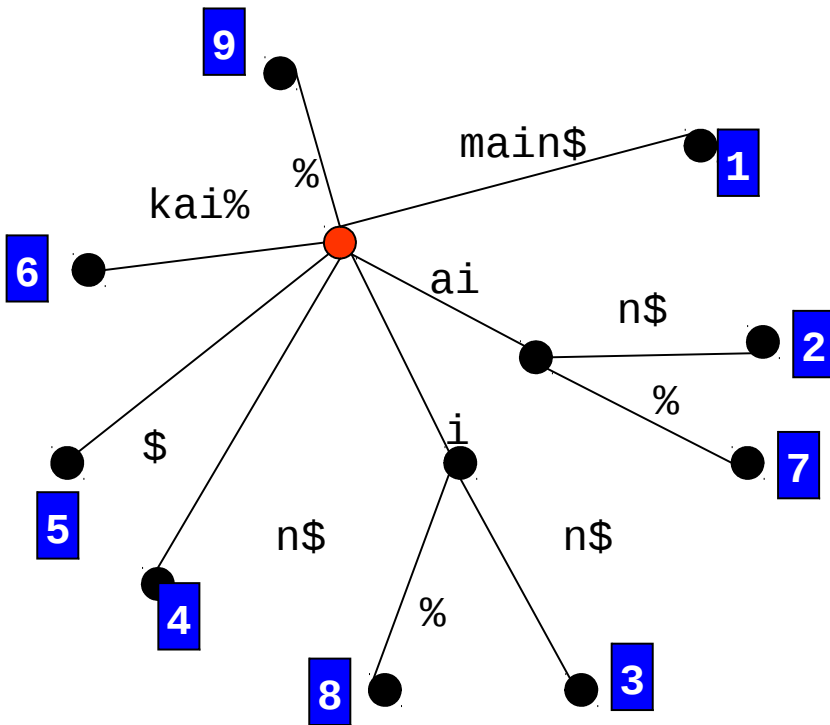
- Lösung
 - Konstruiere Suffixbaum T für $S_1\$S_2\%$
 - Streiche aus diesem Baum alle Pfade unterhalb eines „\$“
 - Durchlaufe den Baum
 - markiere alle internen Knoten mit 1, wenn im Baum darunter ein Blatt aus S_1 kommt
 - markiere Knoten mit 2, wenn ... Blatt aus S_2 vorkommt
 - Suche den tiefsten Knoten mit Beschriftung 1 und 2

Beispiel

- $S_1 = \text{main\$}$, $S_2 = \text{kai\%}$
- ...



Beispiel



- Verallgemeinerbar zu n Strings S_1, \dots, S_n

Komplexität

- Annahme: Wir können T für S in $O(|S|)$ berechnen
- Die Schritte
 - Sei $m = |S_1| + |S_2|$
 - Konstruiere Suffixbaum T für $S_1 \$ S_2$
 - Ist $O(m)$ nach Annahme
 - Streiche aus diesem Baum alle Pfade unterhalb eines „\$“
 - Depth-First Traversal - $O(m)$
 - Durchlaufe den Baum und markiere innere Knoten mit 1,2
 - Depth-First Traversal - $O(m)$
 - Suche den tiefsten Knoten mit Beschriftung 1 und 2
 - Breadth-First Traversal - $O(m)$
- Zusammen: $O(m)$

Längstes „Palindrom“

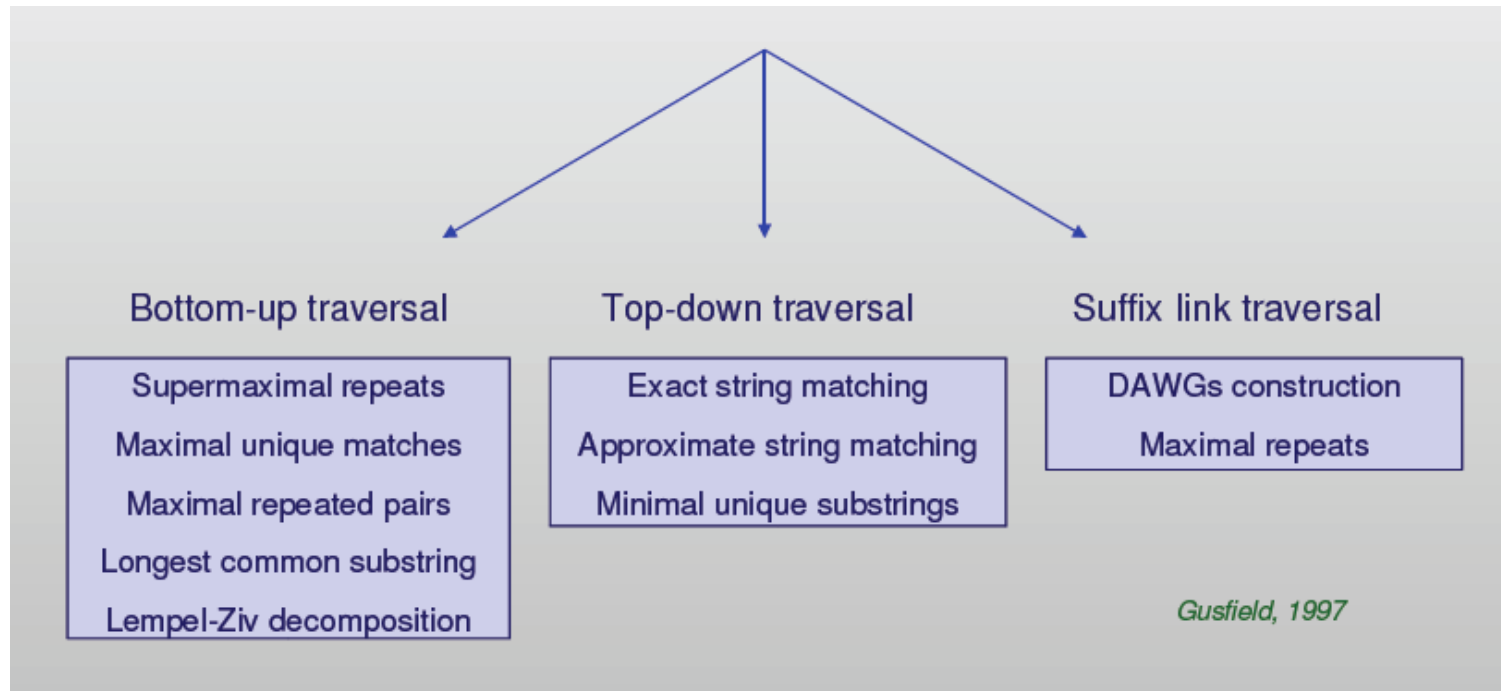
- Gegeben String S.
- Finde den längsten Substring s, der sowohl **vorwärts** als auch **rückwärts** in S vorkommt
- Ideen ?

Längstes „Palindrom“

- Gegeben String S.
- Finde den längsten Substring s, der sowohl **vorwärts** als auch **rückwärts** in S vorkommt
- Ideen ?

- Lösung
 - Suche längsten gemeinsamen Substring für S und reverse(S)

Weitere Anwendungen



- A. Apostolico: „The **myriad virtues** of subword trees, in: Combinatorial Algorithms on Words“, 1985

Selbsttest

- Wie kann man die k Blätter unterhalb eines Baumknoten p in einem Suffixbaum in $O(k)$ erreichen?
- Naiver Konstruktionsalgorithmus für Suffixbäume und dessen Komplexität?
- Wie kann man in $O(|P|)$ zeigen, ob P in einem String S enthalten ist (mit Präprozessierung)
- Wie kann man das in quasi $O(k)$ erreichen, wenn $n=|P|$ fest ist?