

Informationsintegration

Optimierung mit Semi-Joins

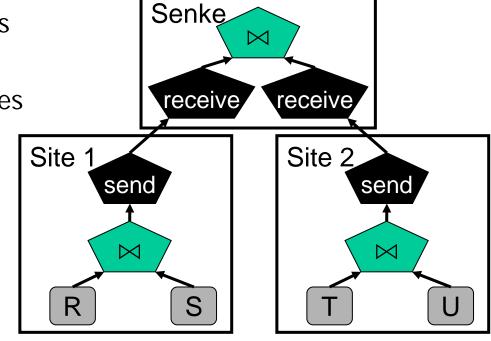
Ulf Leser

Inhalt dieser Vorlesung

- Semi-Joins
- Bloomfilter: Semi-Join Optimierung
- Semi-Joins mit mehreren Relationen: Full Reducer

Erinnerung: Auswertungsstrategien

- Ship whole
 - Vollständige Relationen
 - Wenig Nachrichten, viele Byte
- Fetch rows as needed
 - Pushen von Selektionen/Joins
 - Bindings für Variable
 - Viele Nachrichten, wenig Bytes
- Fetch columns as needed
 - Semi-Join

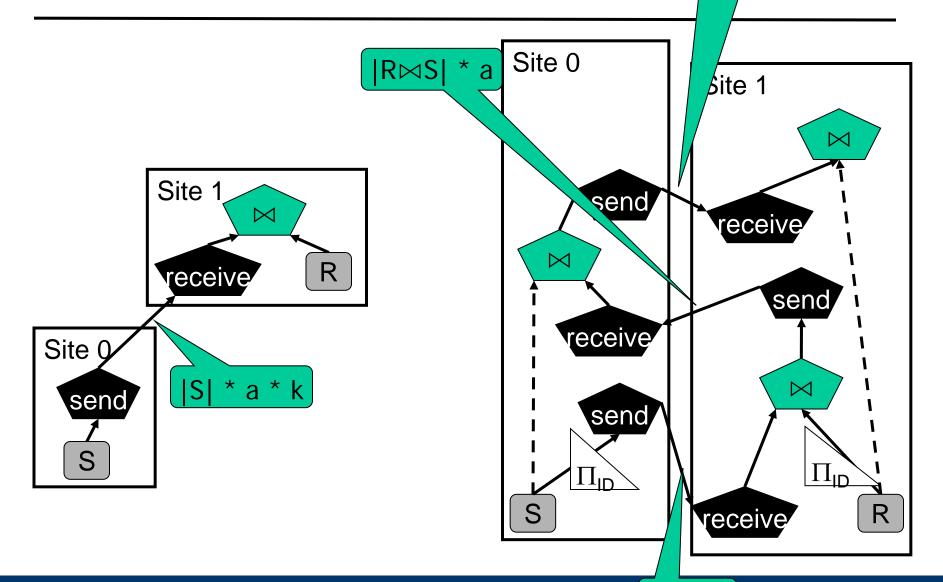


Ausgangslage

- Wir betrachten einen einzelnen Join R⋈S
 - Jedes Attribut hat Größe a, R/S mit k Attributen, keine Projektionen
- Zunächst drei mögliche Strategien
 - Daten von S nach R; Join in R ausführen
 - Daten von R nach S; Join in S ausführen
 - Daten von R und S zu drittem Knoten bewegen, Join dort ausrechnen
- Welche Daten bewegen wir?
 - Zwei Arten von Attributen: Joinattribute, andere Attribute
- Semi-Join: Konzentriert sich erst mal auf die Join(attribute)

Versuch 1

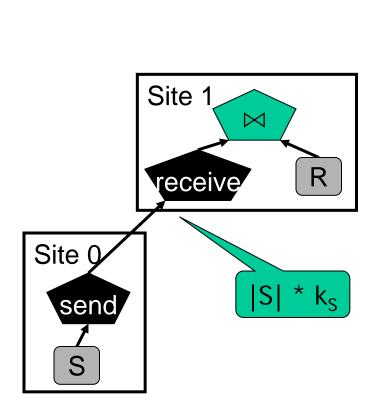


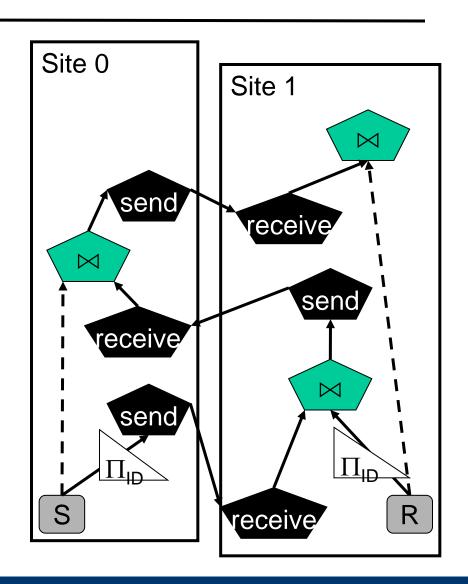


Lohnt sich wann?

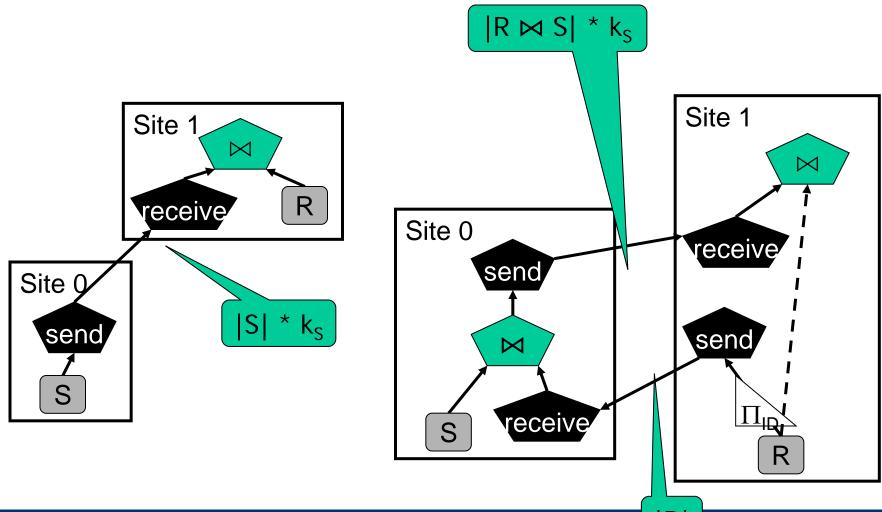
- Kosten Plan 1: |S|*a*k
- Kosten Plan 2: |S|*a + |R⋈S|*a + |R⋈S|*a*k = |S|*a + |R⋈S|*a*(k+1)
- Wann ist $|S|^*a^*k > |S|^*a + |R \bowtie S|^*a^*(k+1)$
 - Unabhängig von Attributgröße: |S|*k > |S|+|R⋈S|*(k+1)
 - Wenn $|S| \gg |R \bowtie S|$ ist
 - Wenn |R⋈S| klein ist
 - Wenn k groß ist (viele Projektionen machen Semi-Join unattraktiv)
- Sprich: Wenn der Join hochselektiv ist und viele nicht-Joinattribute transportiert werden müssen

Geht das nicht (vielleicht) besser?



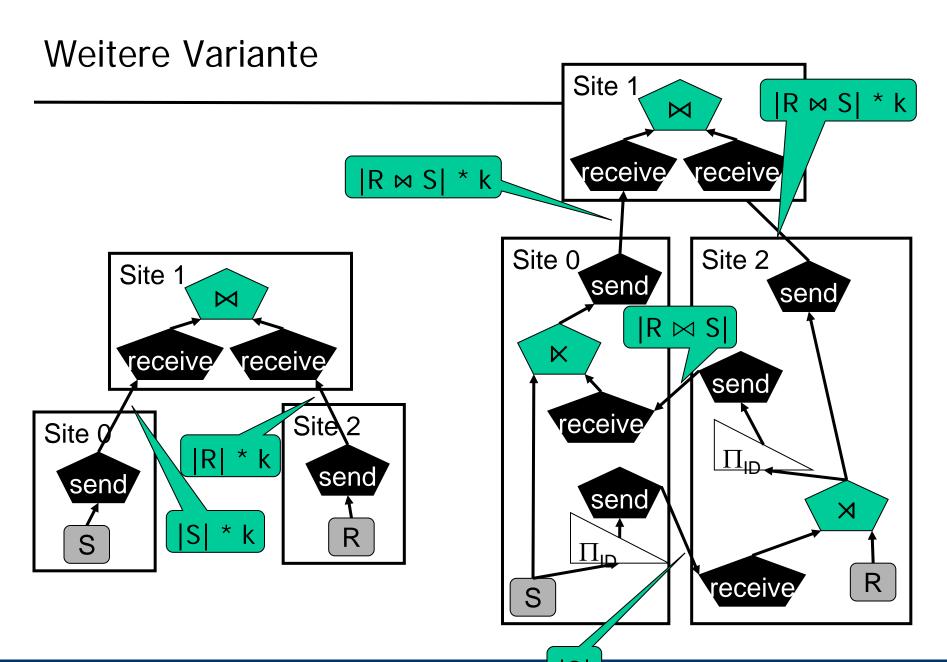


Semi-Join



Lohnt sich wann?

- Kosten Plan 1: |S|*k_S
- Kosten Plan 2: $|S| + |R \bowtie S| * (k_S + 1)$
- Kosten Plan 3: |R| + |R⋈S|*k_S
- 2 und 3 besser als 1, wenn kleines Joinergebnis und k groß
- 3 besser als 2, wenn |R|<|S|
 - Die kleinere Quelle initiiert und berechnet den Join
 - |R⋈S| ist immer gleich groß, egal welche Quelle kleiner ist
 - Plan 4: $|S| + |R \bowtie S| * k_R$



Definition Semi-Join

Definition

Gegeben Relationen R mit Attributmenge A und S mit Attributmenge B. Der Semi-Join $R \ltimes S$ ist definiert als

$$R \bowtie S := \Pi_{A}(R \bowtie_{A \cap B} S)$$

$$= \Pi_{A}(R) \bowtie_{A \cap B} \Pi_{A \cap B}(S)$$

$$= R \bowtie_{A \cap B} \Pi_{A \cap B}(S)$$

Bemerkungen

- Der Join sei ein Natural Join (über A∩B)
- Bei Join zwischen R.X und S.Y gilt: $R \ltimes S := R \bowtie_{X=Y} \Pi_Y(S)$
- S wirkt als Filter auf den Tupeln von R
- Semi-Join ist asymmetrisch

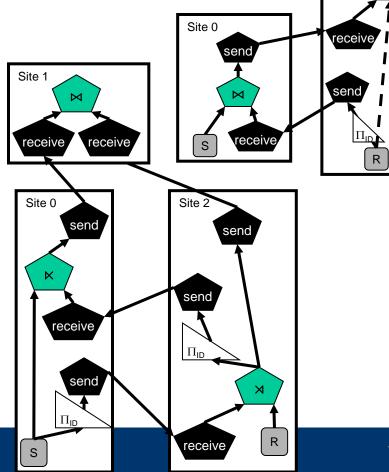
Transformationsregeln

 Semi-Joins können auf verschiedene Arten zur Optimierung von Joins eingesetzt werden

Äquivalenzumformungen

$$R\bowtie_F S =$$

- $(R \ltimes_F S) \bowtie_F S$
 - R verkleinern, dann Join mit S
- $R\bowtie_F (S \bowtie_F R)$
 - S verkleinern, dann Join mit R
- $(R \ltimes_F S) \bowtie_F (S \ltimes_F R)$
 - R und S verkleinern, dann Join
- Entspricht welchen verteilten Plänen?



Aus einer Übung

Titel und Regisseur aller Filme, die jünger als 1980 sind

SELECT F1.Titel, F2.Regie

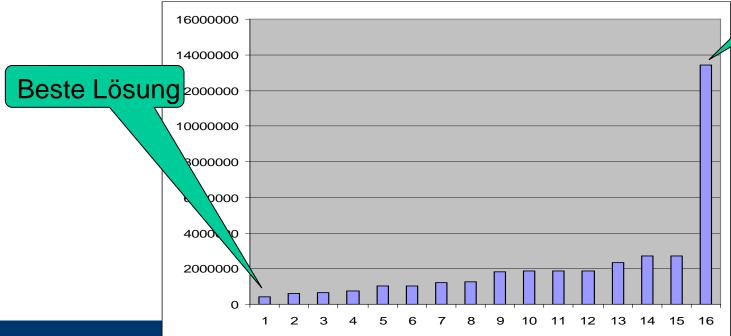
FROM Movie1.Filme1 F1, Movie2.Filme2 F2

WHERE F1.Titel = F2.Titel

AND F1.Jahr > 1980

Anzahl übertragener Bytes





Tricks

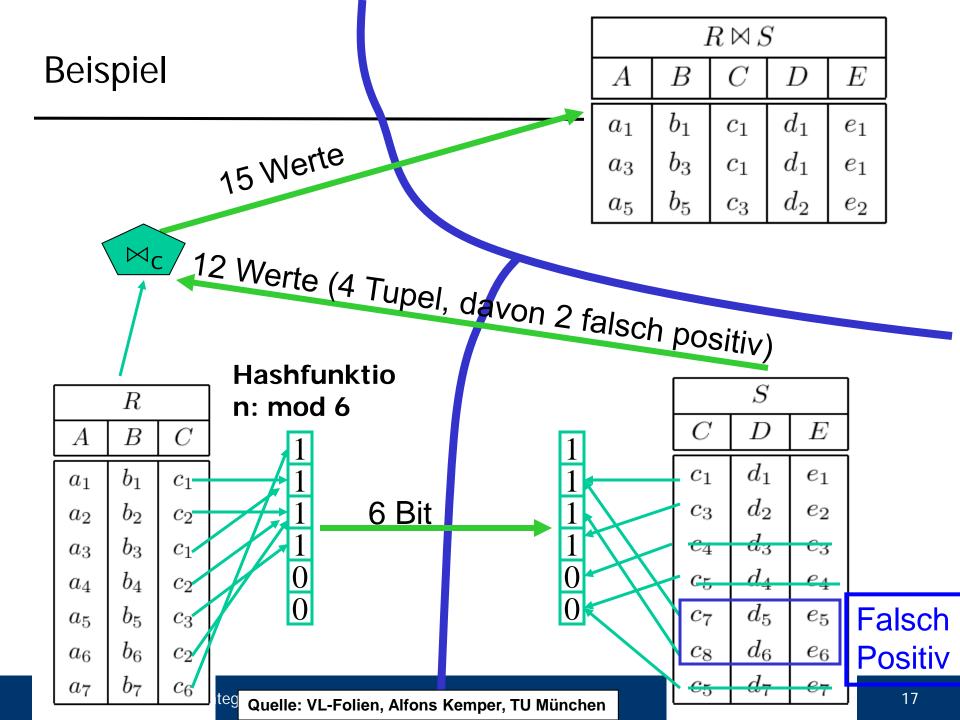
- Nur notwendige Bytes übertragen: Rtrim()
- Richtige Reihenfolge: Filme2 ist kleiner
- Projektionen wo immer möglich
- Kompression: Duplikate nicht übertragen
 - Semi-Join gemischt mit DISTINCT
- Bloomfilter

Inhalt dieser Vorlesung

- Grundidee des Semi-Joins
- Bloomfilter: Semi-Join Optimierung
- Semi-Joins mit mehreren Relationen: Full Reducer

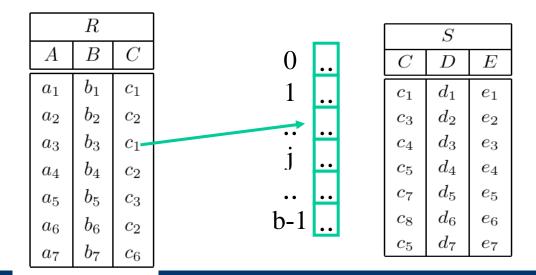
Bloomfilter

- Effiziente Implementierung von (Semi-)Joins
- Beobachtung
 - Semi-Joins lohnen sich, wenn man die Join-Selektivität als sehr hoch einschätzt
 - Also werden nur sehr wenige Werte einen Joinpartner finden
 - Warum dann alle übertragen?
- Idee von Bloomfiltern (Hashfilter) für R⋉_FS
 - Bloom, B. H. (1970). "Space/Time Trade-offs in Hash Coding with Allowable Errors." Communications of the ACM
 - Hashe alle Werte R.F mit Hashfunktion h in (kleine) Hashtabelle H
 - Übertrage H nach S
 - \forall f∈S.F mit H(h(f))=0 gilt: f hat keinen Join-Partner in R
 - \forall f∈S.F mit H(h(f))=1 gilt: f hat vielleicht einen Join-Partner in R



Wsk für eine 1

- Wsk, dass ein bestimmtes Bit gesetzt ist
 - Sei b=|H|; wir nehmen Gleichverteilung von h an
 - Wsk, dass ein bestimmtes f∈R das Bit setzt: 1/b
 - Wsk, dass kein f∈R das Bit setzt: (1-1/b)|R|
 - Wsk, dass irgendein f∈R ein bestimmtes Bit setzt: 1- (1-1/b)|R|



Anzahl von 1'ern

- Wie viele Bits erwarten wir als gesetzt? b*[1- (1-1/b)|R|]
 - Dabei beachten wir, dass mehrere f∈R dasselbe Bit setzen können
- Wenn b >> |R| ist das zu kompliziert
 - Dann nimmt man einfach an: Alle f∈R setzen unterschiedliche Bits

S

D

 d_1

 d_2

 d_3

 d_{A}

 d_5

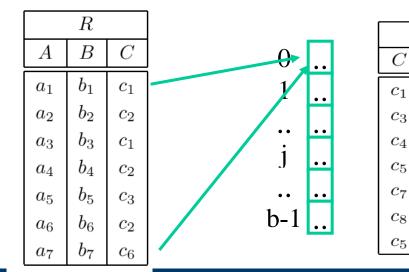
E

 e_1

 e_3

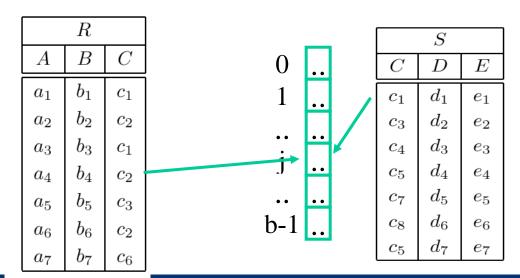
 e_5

- Nicht unrealistisch: Man braucht ja nur b bits
- Damit: Wsk, dass ein bestimmtes Bit j gesetzt ist: |R|/b



Auswirkung auf S

- Wsk, dass eine gegebene Position j im Hasharray irgendein f∈S trifft: 1-(1-1/b)^{|R|}
- Wie viele f∈S werden ausgewählt? |S|*(1- (1-1/b)|R|)
- Alternative Berechnung (alle f setzen unterschiedliche Bits)
 - Wsk, dass ein bestimmtes Bit j gesetzt ist: |R|/b
 - |S|*(|R|/b) Elemente aus S werden ausgewählt



Beispiel

- |R| = |S| = 1000, b = 4000, a = 15
 - Übertragung aller Schlüssel: 15.000 Byte
 - Übertragung von H: 4000/8 = 500 Byte
- Erwartete Anzahl ausgewählter Werte in S
 - $|S| * [1- (1-1/b)^{|R|}] = 1000*[1- (1-1/4000)^{1000}] \sim 221$
 - Approximation: |S|*(|R|/b) = 250
- Nur in ca. 250 Bits erwartet man in beiden Arrays eine "1"
 - Wenn Werte durch Hashfunktion gleichverteilt werden und R und S unabhängig voneinander sind
- Wahrscheinlich sind nur wenige der "1" sind falsch Positive
 - Kann man genau ausrechnen

Trade-Off

- Je größer b
 - Desto breiter wird R über H gestreut
 - Desto mehr Bit müssen im Filterschritt übertragen werden
 - Desto weniger Tupel aus S finden eine 1 in H
 - Desto weniger Tupel aus S finden f\u00e4lschlicherweise eine 1 in H
 - Desto weniger Tupel müssen an R zurückgeschickt werden

Bloom-Filter: Universeller Trick

- Signatur-Files (~Indexe f
 ür die Filterung von Daten)
- Beim "normalen" Hash-Join
- Für Star-Joins in Data Warehouses
- Bloomfilter: Immer, wenn
 - … Mengen verglichen werden und
 - ... man erwartet, dass nur wenige Elemente Treffer sind und
 - ... Datenübertragung teuer ist

Inhalt dieser Vorlesung

- Grundidee des Semi-Joins
- Bloomfilter: Semi-Join Optimierung
- Semi-Joins mit mehreren Relationen: Full Reducer

Semi-Joins mit mehr als einem Join

R
$$\bowtie_F S$$
 $\bowtie_G T =$
(R $\bowtie_F S$) $\bowtie_F (S \bowtie_G T)$ $\bowtie_G T =$
(R $\bowtie_F (S \bowtie_G T))$ $\bowtie_F (S \bowtie_G T)$ $\bowtie_G T =$

- Jeder Semi-Join reduziert (potentiell) die Zahl von Tupeln einer Relation, die übertragen werden müssen
 - Man nennt Semi-Joins daher auch "Reducer"
- Eine Relation heißt "reduced", wenn sie keine Tupel mehr enthält, die nicht im Gesamtergebnis gebraucht werden
 - Globale Eigenschaft auch weit entfernte Joins beeinflussen die "notwendigen" Tupel einer Relation

Formaler

Definition

Seien $R_1,...,R_n$ Relationen. Ein Semi-Join Programm ist eine Folge von Semi-Joins der Art

$$R_i := R_i \bowtie R_j$$

Bemerkung

- Joinattribute geben wir nicht mit an (ergeben sich aus Query)
- Die Wirkung jedes Semi-Joins ist prinzipiell eine Reduzierung der Tupel in R_i
- Gemeint ist nur eine temporäre Änderung von R_i
 - Es wird also eigentlich ein R_i produziert

Full Reducer

- Definition Sei $Q=R_1\bowtie...\bowtie R_n$ eine relationale Anfrage:
 - Ein Reducer für eine Relation R_i in Q ist ein Semi-Join Programm, das aus R_i alle Tupel entfernt, die nicht zur Berechnung von result(Q) benötigt werden
 - Ein Full Reducer für Q ist ein Semi-Join Programm, das ein Reducer für alle R_i in Q ist
- Bemerkung
 - Die R_i müssen nicht unterschiedlich sein
 - Reducer für eine Relation Full Reducer für eine Query

Full Reducer und verteile Anfragen

- Ein Full Reducer entspricht einem Plan zur Abarbeitung einer verteilten Anfrage
- Der überträgt wenig (am wenigsten) Tupel für Joins, die "hoch" im Ausführungsplan sind (also spät berechnet werden)
- Dafür werden Joins öfters ausgeführt viel größerer Suchraum
- Ist nicht unbedingt optimal im Sinne der insgesamt kleinsten übertragenen Datenmenge
 - Denn zur Reduktion müssen ja Tupel übertragen werden
- Wie schwer ist es, einen Full Reducer zu finden?

Beispiel

В
2
4
6
8



В	С
1	2
2	4
3	6
4	8

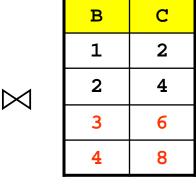


С	D
1	2
2	4
3	6
4	8

- Viele Tupel sind "dangling"
 - Z.B. 2-4, 4-8, 8-? oder ?-?, ?-1, 1-2
- Beispiel für ein Semi-Join Programm:
 - ав := ав к вс entfernt aus AB: (3,6) und (4,8)
 - вс := вс к съ entfernt aus BC: (3,6) und (4,8)
 - ср := ср к вс entfernt aus CD: (1,2) und (3,6)

Beispiel

A	В
1	2
2	4
3	6
4	8





- Ist das ein Full Reducer?
 - Nein: in AB ist (2,4) überflüssig; ebenso BC: (1,2) und CD: (2,4)
 - Um das zu sehen, muss man reduzierte Relationen zur weiter Reduktion verwenden
- Full Reducer?

```
- вс := вс к ав entfernt aus BC: (1,2) und (3,6)
```

- ср := ср к вс entfernt aus CD: (1,2) und (2,4) und (3,6)

- вс := вс к ст entfernt aus BC: (4,8)

- ав := ав к вс entfernt aus AB: (2,4) und (3,6) und (4,8)

Etwas Theorie

- Die Schwere des Problems "Finde einen Full Reducer für eine gegebene Query Q" hängt von der Art der Query ab
- Definition Sei $Q=R_1\bowtie...\bowtie R_n$. Der Hypergraph von Q wird wie folgt konstruiert
 - Jedes Attribut in Q wird ein Knoten
 - Verschmelze (transitiv) alle Knoten, die über einen Equi-Join verbunden sind
 - Für jede R_i füge eine Hyperkante ein, die alle Attribute von R_i verbindet
- Bemerkung
 - Wir zeigen Hyperkanten als Mengen

Beispiel

Schema

```
Books(title, author, publisher, ISBN)
Publisher(publisher, paddr, pcity)
Borrower(name, baddr, bcity, ID)
Loan(ID, ISBN, date)
```

Query (berechnet was?)

```
FROM books, publisher, borrower, load
WHERE books.publisher = publisher.publisher AND
books.ISBN = loan.ISBN AND
borrower.ID = loan.ID AND
borrower.bcity = publisher.pcity
```

Hypergraph ...

 Verschmelzung von Joinattributen ist durch die Namensgleichheit der Attribute schon fast erledigt

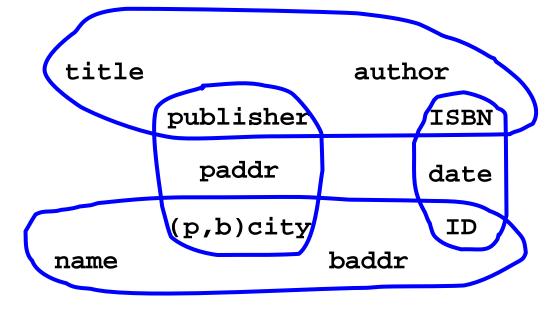
Hypergraph

Title, publisher, author, ISBN

Publisher, paddr, pcity

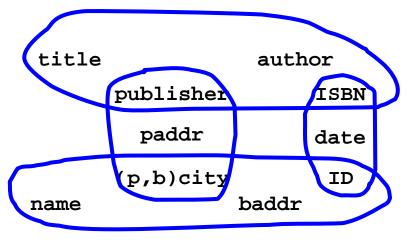
Name, baddr, bcity, ID

ID, ISBN, city



GYO-Reduktion (Graham, Yu and Ozsoyoglu, 1979)

- GYO Reduktion eines Hypergraphen H
 - Sei E eine Hyperkante aus H. Wir nennen E ein Ohr, wenn
 - es kein Attribut mit einer anderen Hyperkante gemeinsam hat oder
 - es eine Hyperkante F gibt, so dass die Attribute in E-F in keiner anderen Hyperkante als E enthalten sind
- Ohren kann man abschneiden
 - Denn sie werden nur an einer Stelle gehalten
- Abschneiden heißt
 - Entfernen von E
 - Entfernen aller Knoten aus E-F
- Keine Ohren:



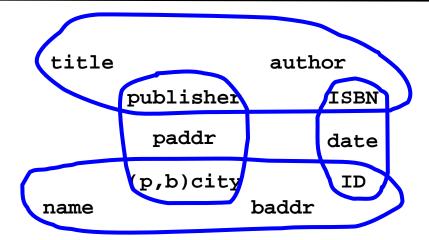
Azyklische Hypergraphen

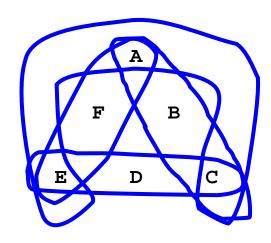
den leeren Graphen erzeugt.

Definition Ein Hypergraph H ist azyklisch, wenn ein wiederholtes Entfernen aller Ohren so lange, bis es kein Ohr mehr gibt,

- Bemerkung
 - Wir können uns beim Entfernen von Ohren nicht verlaufen durch Abschneiden eines Ohrs werden keine anderen Abschneidungen verhindert (höchstens ermöglicht)
 - Das Ergebnis der GYO Reduktion ist eindeutig
 - Aber es gibt i.d.R. verschiedene Reihenfolgen dahin

Beispiel

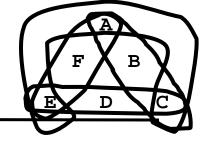




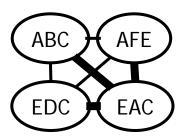
Ist zyklisch

- Ist?
 - (ABC)-(ACE)=(B) und B ist nur in (ABC) – also (ABC) entfernen
 - (AEF)-(ACE)=(F) ... also(AEF) entfernen
 - (EDC)-(ACE)=(D) ... also(EDC) entfernen
 - Nun auch (ACE) entfernen

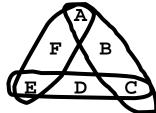
Join-Graphen



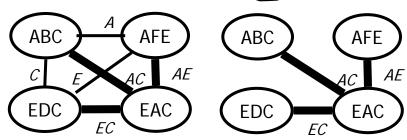
- Die Definition von azyklisch ist intuitiv nicht leicht zu erfassen
 - Der Join-Graph des letzten Beispiels ist zyklisch



 Der azyklische Hypergraph hat einen zyklischen Subgraphen



 Die Query kann so (äquivalent) umgeformt werden, dass der Join-Graph azyklisch ist



• Theorem

Eine Query Q ist azyklisch, wenn und nur wenn es eine äquivalente

Umformung von Q gibt, deren Join-Graph azyklisch ist

Komplexität

Theoreme

- Eine Query hat einen Full Reducer gdw. ihr Hypergraph azyklisch ist
- Sei Q eine azyklische Anfrage und E eine Hyperkante ihres Hypergraphen.
 Dann gibt es eine Sequenz von Ohr-Entfernungen, die E als letztes
 Element entfernt
 - Wird noch wichtig später
- Für eine lineare Query ist das Finden eines Full Reducers linear
 - Eine Query ist linear, wenn man ihre Relationen so anordnen kann, dass jede Relation nur einen Join mit ihrem Vorgänger und einen Join mit ihrem Nachfolger hat
- Beweise: Literatur

Full Reducer für lineare Anfragen

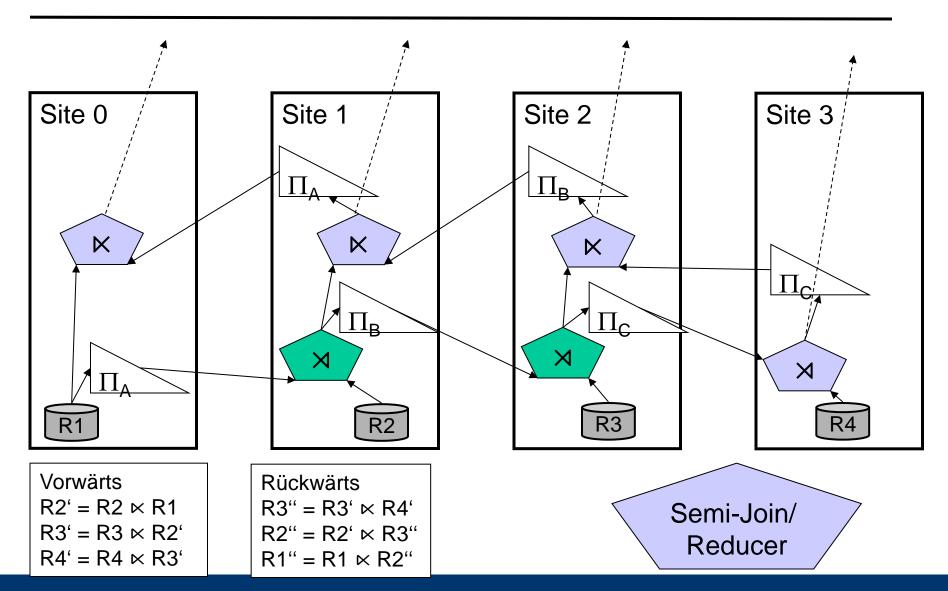
- Wir benötigen zwei Phasen
 - Vorwärts
 - Rückwärts
- Ablauf
 - $R1 \bowtie_A R2 \bowtie_B ... \bowtie_Y R(n-1) \bowtie_7 Rn$
 - Vorwärts
 - R2' = R2 × R1
 - $R3' = R3 \ltimes R2' = R3 \ltimes (R2 \ltimes R1)$
 - ...
 - $Rn' = Rn \ltimes R(n-1)' \Longrightarrow$
 - Rückwärts
 - $R(n-1)'' = R(n-1)' \ltimes Rn^{-1}$
 - $R(n-2)^{\prime\prime} = R(n-2)^{\prime} \ltimes R(n-1)$ Reducer für R(n-1)
 - •
 - R1" = R1 × R2"

Reducer für R1

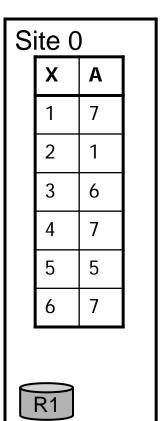
Reducer für Rn

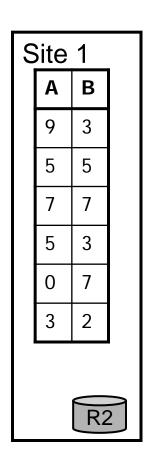
Full Reducer für Q

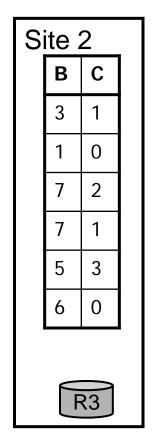
Als Ausführungsplan

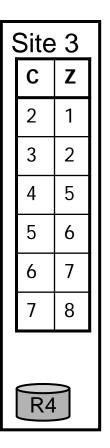


Beispiel

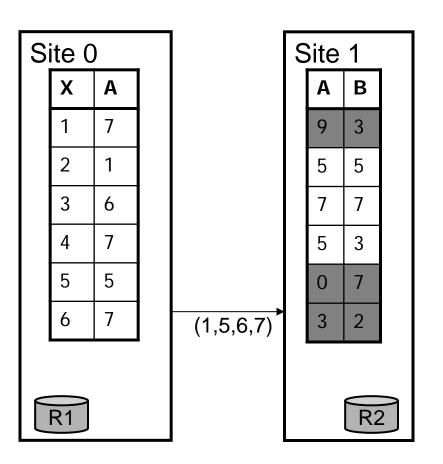


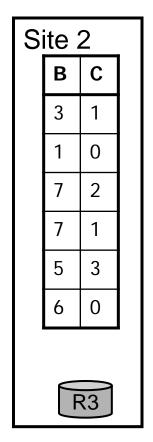


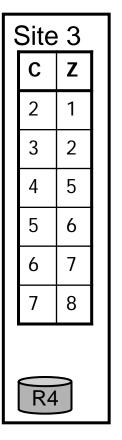




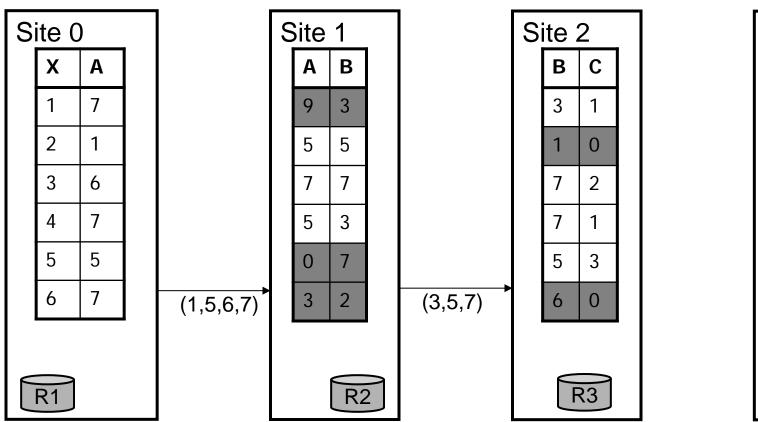
 $R1 \bowtie_A R2 \bowtie_B R3 \bowtie_C R4$

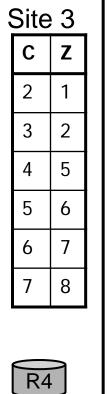




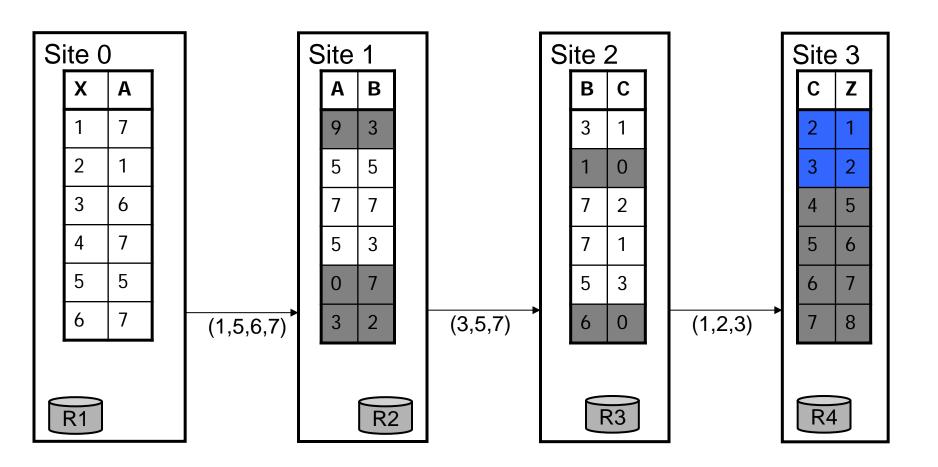


 $R1 \bowtie_A R2 \bowtie_B R3 \bowtie_C R4$

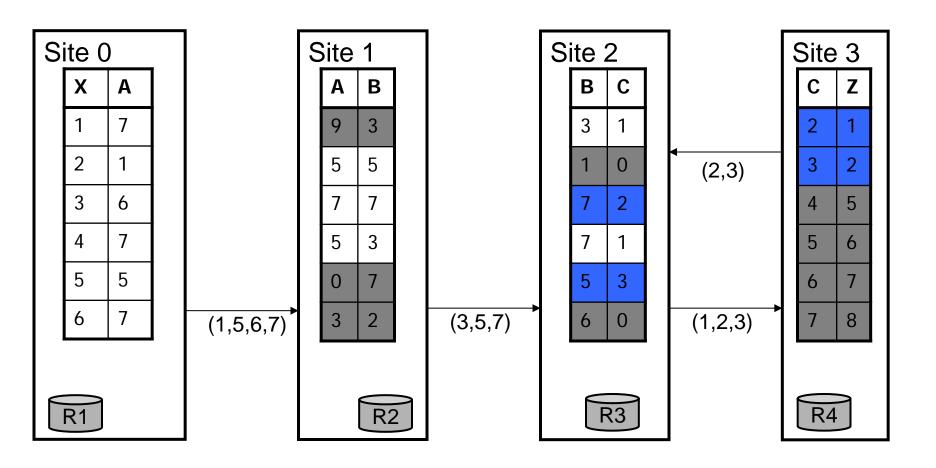




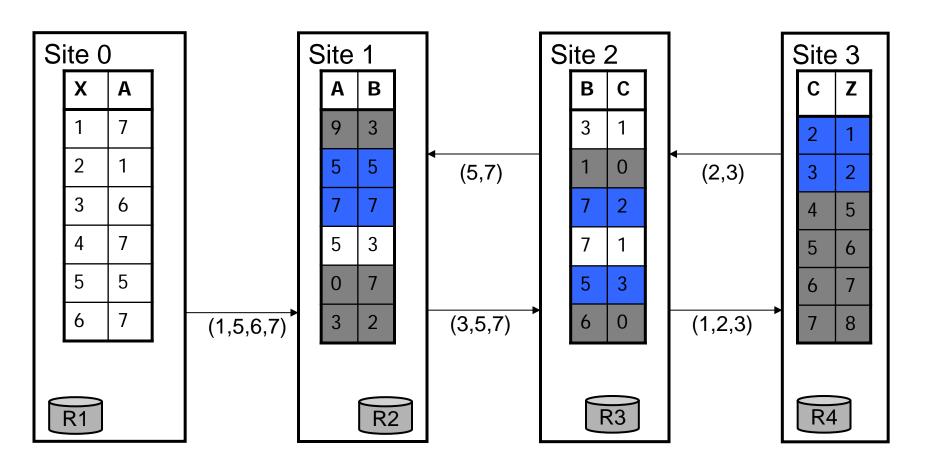
 $R1\bowtie_A R2\bowtie_B R3\bowtie_C R4$



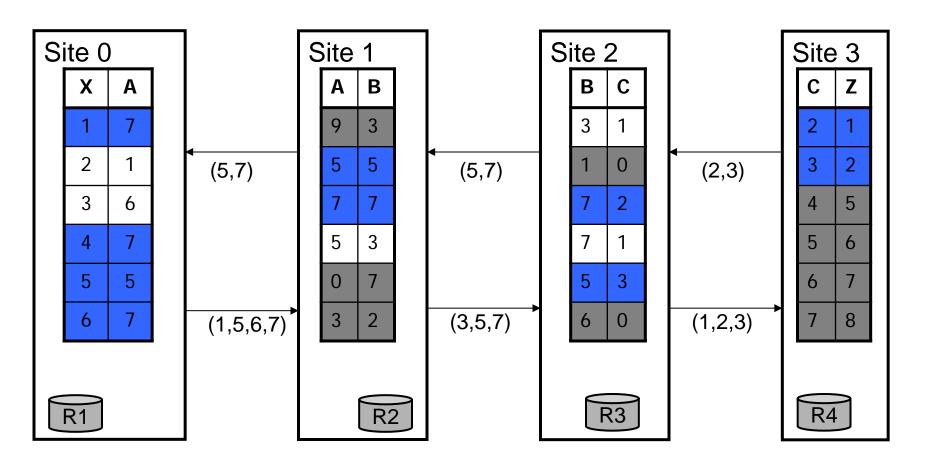
$$R1\bowtie_A R2\bowtie_B R3\bowtie_C R4$$



 $R1 \bowtie_A R2 \bowtie_B R3 \bowtie_C R4$



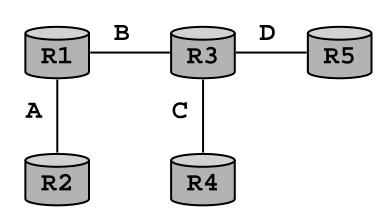
$$R1\bowtie_A R2\bowtie_B R3\bowtie_C R4$$

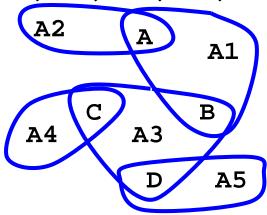


 $R1\bowtie_A R2\bowtie_B R3\bowtie_C R4$

Azyklische Anfragen

- Für azyklische Anfragen können wir in linearer Zeit einen Reducer für eine beliebig gewählte Relation finden
- Gegeben eine azyklische, nicht-lineare Anfrage Q
 - R1(A1,A,B), R2(A2,A), R3(A3,B,C,D), R4(A4,C), R5(A5,D)

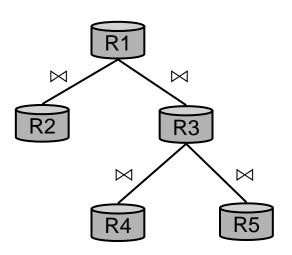




- Offensichtlich azyklisch
- Wähle eine Relation (R1) als letztes Element

Reducer für azyklische Anfragen

- Setze die gewählte Relation als Wurzel eines Baumes
- Baue den Baum von den Blätter her auf
 - Füge sukzessive abgeschnittene Ohren O zu dem Baum
 - Kinder sind die Ohren, die vorher abgeschnitten werden mussten, um O "abschneidbar" zu machen
 - Wurzel muss bleiben
- Reducer für die Wurzel
 - Von unten nach oben
 - Einführung von Semi-Joins von Knoten zu ihren Eltern

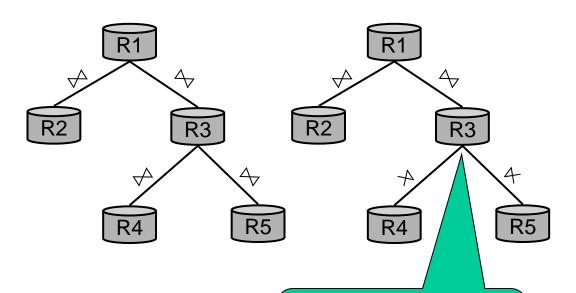


Reducer für R1

R1(A1,A,B), R2(A2,A), R3(A3,B,C,D), R4(A4,C), R5(A5,D)

Erfüllte Bedingungen:

- R3.C = R4.C
- R3.D = R5.D
- -R1.A = R2.A
- R1.B = R3.B



R1 R3 R3 R4 R5

Erfüllte Bedingungen:

- R3.C = R4.C
- R3.D = R5.D

Ergebnis in R1 erfüllt alle Bedingungen, ist also reduced.

Zyklische Anfragen

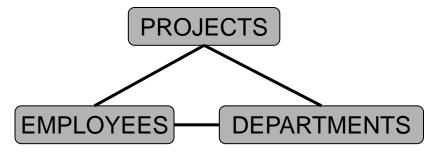
Zyklische Anfragen

Alle Mitarbeiter, die an Projekten der eigenen Abteilung arbeiten

SELECT EMP.name, DEPT.name
FROM EMP, DEPT, PROJ
WHERE EMP.d_ID = DEPT.ID
AND EMP.p_ID = PROJ.ID
AND PROJ.d_ID = DEPT.ID

DEPT	
DName	ID
A	1
b	2

PROJ		
d_ID	ID	PName
1	6	Clio
2	7	HumMer



ЕМР		
EName	d_ID	p_ID
х	1	7
У	2	6

Was passiert?

Zyklische Anfragen

- Zyklische Anfragen
 - Alle Mitarbeiter, die an Projekten der eigenen Abteilung arbeiten

```
SELECT EMP.name, DEPT.name
FROM EMP, DEPT, PROJ
WHERE EMP.d_ID = DEPT.ID
AND EMP.p_ID = PROJ.ID
AND PROJ.d_ID = DEPT.ID
```

DEPT	
DName	ID
A	1
b	2

PROJ		
d_ID	ID	PName
1	6	Clio
2	7	HumMer

- Semi-Join betrachtet nur zwei Relationen
- Kein paarweiser Join ist leer
- Es gibt keinen Full Reducer
- Aber das Gesamtergebnis ist leer

		_
EMP		
EName	d_ID	p_ID
x	1	7
Y	2	6

Warnung

- Ein Full Reducer entfernt alle überflüssigen Tupel
- Um einen Full Reducer auszurechnen, müssen aber schon Tupel bewegt werden
- Wann die minimale Menge von Zwischenergebnissen bewegt wird, haben wir noch nicht betrachtet
 - Freiheitsgrade, z.B. Welche Relation wähle ich als Wurzel?
- Ein optimaler Plan unter Verwendung eines (Full-)Reducers muss auch andere Optimierungstechniken benutzen
 - Welches ist der beste (Full-)Reducer?
 - Wo und in welcher Reihenfolge werden Semi-Joins ausgeführt?
 - Minimaler Gesamttransport von Daten

Literatur

- Philip A. Bernstein, Dah-Ming W. Chiu: Using Semi-Joins to Solve Relational Queries. Journal of the ACM 28(1): 25-40 (1981)
- W. Meng and C. Yu, "Query Processing in Multidatabase Systems," in Modern Database Systems, W. Kim, Ed. New York: ACM Press, Addison-Wesley, 1995, pp. 551-572.
- J. D. Ullman, "Principles of Database Systems and Knowledge-Based Systems. Volume II: The New Technologies". Computer Science Press, Rockville, 1989.